

lncRNA1

TCONS_00179561	GTCCATTGATCACAACATTTTACTAATTACATTTCATTTCATCTCTCAATGATCGACAAACTAAACCGAAATGTGGACCAGTCATATCCCTGGCGGATCCACCCGGCAGTCCC	120
lncRNA1	GTCCATTGATCACAACATTTTACTAATTACATTTCATTTCATCTCTCAATGATCGACAAACTAAACCGAAATGTGGACCAGTCATATCCCTGGCGGATCCACCCGGCAGTCCC	115
TCONS_00179561	GCAGCAGCAACCAAGCTTTCAGCGCGGGCGGACAGCAGCAGCAAC.....RACAGAGCAGCGAATGTGAAGCTGGGCTATACGA	207
lncRNA1	GCAGCAGCAACCAAGCTTTCAGCGCGGGCGGACAGCAGCAGCAAC.....RACAGAGCAGCGAATGTGAAGCTGGGCTATACGC	235
TCONS_00179561	CTAAGATGACCAACAACCCACATGATCCTAGGAACAAACAGGTACATGCCAGTGTGGAAGTGGGAATAGCTTGCAGCAGCAGCAGCAGCAGAGATTGTTATTGTTGATCAAGAT	327
lncRNA1	CTAAGATGACCAACAACCCACATGATCCTAGGAACAAACAGGTACATGCCAGTGTGGAAGTGGGAATAGCTTGCAGCAGCAGC.....AGAGATTGTTATTGTTGATCAAGAT	349
TCONS_00179561	TATTCTATTTTGGTTAATTAAATTGTAATTCGTTAATTATTATTGTTGTTGTTGTTCTTATTGGTCTATCTGTTTAAATTGTAGCTTTTGACC	420
lncRNA1	TATTCTATTTTGGTTAATTAAATTGTAATTCGTTAATTATTATTGTTGTTGTTGTTCTTATTGGTCTATCTGTTTAAATTGTAGCTTTTGACC	438

lncRNA2

TCONS_00109592.seq	TCCTCTAGCACTTCCACCGTCTCTTTTGTCTGAGATGGTCACAACCTCTGTACATTGGTTCGTGAGATTTCATTGAACGGCAAAATCCAGGATTAGAAGCAATCTGATCT	120
lncRNA2	TCCTCTAGCACTTCCACCGTCTCTTTTGTCTGAGATGGTCACAACCTCTGTACATTGGTTCGTGAGATTTCATTGAACGGCAAAATCCAGGATTAGAAGCAATCTGATCT	120
TCONS_00109592.seq	TGGAGCCATCTCCAACCTTCCAATCAGTTCTCTTTTCAACAACCTTTGGGCGCTCCAACAAGCTCCTCCATCTCCAAGAGGTGCTGTGAACGATGCCGAACCTCTTATGTTGTT	240
lncRNA2	TGGAGCCATCTCCAACCTTCCAATCAGTTCTCTTTTCAACAACCTTTGGGCGCTCCAACAAGCTCCTCCATCTCCAAGAGGTGCTGTGAACGATGCCGAACCTCTTATGTTGTT	240
TCONS_00109592.seq	TCTTGGTTGGTTGTGTCGACGGCAGGGTAAGGAAGGGGATCAGTCTCTCCAATGACTGAATTTTTTACCAGATGATATCAACATTTGTTCCATCTGTTCAACTTGTGTT	360
lncRNA2	TCTTGGTTGGTTGTGTCGACGGCAGGGTAAGGAAGGGGATCAGTCTCTCCAATGACTGAATTTTTTACCAGATGATATCAACATTTGTTCCATCTGTTCAACTTGTGTT	360
TCONS_00109592.seq	CTCTGCAATGCAAAATCAATATCTATACATGATGTGTTTAGATAATTCTTATTAGCAATAAAATTTGGAATCTCACTTAATCCCAATCATTCGTTTTTCGGCTTGGTTCAGTA	480
lncRNA2	CTCTGCAATGCAAAATCAATATCTATACATGATGTGTTTAGATAATTCTTATTAGCAATAAAATTTGGAATCTCACTTAATCCCAATCATTCGTTTTTCGGCTTGGTTCAGTA	471
TCONS_00109592.seq	CTCCATGAATTTTATTACATATACACAACAATCAAATTTATGTGAATGGAACAATGGGCTGTATTAGGAGAACCGGTATACATCTCAATTGAACCTACTAATTAAGGTATTGTTAGGTT	600
lncRNA2	CTCCATGAATTTTATTACATATACACAACAATCAAATTTATGTGAATGGAACAATGGGCTGTATTAGGAGAACCGGTATACATCTCAATTGAACCTACTAATTAAGGTATTGTTAGGTT	591
TCONS_00109592.seq	TTGAGGGGGATT	612
lncRNA2	TTGAGGGGGATT	603

lncRNA3

TCONS_00133884	CTCCTCTCTCCAGTTGTGTGTGCGAATTCGGCTTGAGATCACGAAGAGGGATTAGAAGATGTCCTTTCGAATGGATCTTATTGTCAIGATGTCGATGATAGATATAGATTCTCGTTTT	120
lncRNA3	CTCCTCTCTCCAGTTGTGTGTGCGAATTCGGCTTGAGATCACGAAGAGGGATTAGAAGATGTCCTTTCGAATGGATCTTATTGTCAIGATGTCGATGATAGATATAGATTCTCGTTTT	120
TCONS_00133884	GTCTGATCAATGATTTCCGATCAAGTCAAAAGAATTAATCTCTCTCAAGAGGTTGAAGTCTTTTTGACCTAATTCAGATCATCACTCCGCAAAATGTAAGTCTATATCGAGCT	240
lncRNA3	GTCTGATCAATGATTTCCGATCAAGTCAAAAGAATTAATCTCTCTCAAGAGGTTGAAGTCTTTTTGACCTAATTCAGATCATCACTCCGCAAAATGTAAGTCTATATCGAGCT	240
TCONS_00133884	CAACTTCATGAAGCAAGAGGAAGGAACAATTAATGTTGTTAGAACTTAAATGTTTCCAAATTTTGTAGTAATGGAAGGAATAGAGCAACCTGCATGAC	348
lncRNA3	CAACTTCATGAAGCAAGAGGAAGGAACAATTAATGTTGTTAGAACTTAAATGTTTCCAAATTTTGTAGTAATGGAAGGAATAGAGCAACCTGCATGAC	348

lncRNA4

TCONS_00009270	TCCCACATGCAAGCTGAGACATTAAATTGAGCACCAGAGGCTTAAACTCTTACTACCACTTGTGAATCTGAAGGCAAAATGGCAAGAAACCATTTACCATAGACATCAATACAATGGC	120
lncRNA4	TCCCACATGCAAGCTGAGACATTAAATTGAGCACCAGAGGCTTAAACTCTTACTACCACTTGTGAATCTGAAGGCAAAATGGCAAGAAACCATTTACCATAGACATCAATACAATGGC	120
TCONS_00009270	TAGAAAAAGCAAGGCTCCAAAGGTAAAAAGGATCCATGCCCTATTAGAATATGAGCAAAAGTGGGTAGTAGGAGGATCCCATAGAAAAACCTAATGAGAAAACCTCCATATTGTTGTA	240
lncRNA4	TAGAAAAAGCAAGGCTCCAAAGGTAAAAAGGATCCATGCCCTATTAGAATATGAGCAAAAGTGGGTAGTAGGAGGATCCCATAGAAAAACCTAATGAGAAAACCTCCATATTGTTGTA	240
TCONS_00009270	TTTGATGTTGCACAGCTATGACTCGAAACGCTTCCATTATTACAGGGAAGGCGATCTTAAGGGCAGTCTTAGAAATCAGAGAATAAGAACACTTTGCACAAAATTGGACATTCAATA	360
lncRNA4	TTTGATGTTGCACAGCTATGACTCGAAACGCTTCCATTATTACAGGGAAGGCGATCTTAAGGGCAGTCTTAGAAATCAGAGAATAAGAACACTTTGCACAAAATTGGACATTCAATA	360
TCONS_00009270	ACAGAAATCAACAAACTTTGGAGTATAGAATTTATCTCACACGGATTCAAGAACATGGATTGTAAAAACACATAATAACGATTTGAGAATCCCTCAGATTATTTTTTCTCAAT	480
lncRNA4	ACAGAAATCAACAAACTTTGGAGTATAGAATTTATCTCACACGGATTCAAGAACATGGATTGTAAAAACACATAATAACGATTTGAGAATCCCTCAGATTATTTTTTCTCAAT	480
TCONS_00009270	GGAAATTCGGTCCACTACTTTAAATATTATAAATGTCAACGGGAAGCATTAAATATGTCATAAATCTGCATTAGAATCAACCAAACTCACCTAATCTTGAATACCGCAAAAATAACAA	600
lncRNA4	GGAAATTCGGTCCACTACTTTAAATATTATAAATGTCAACGGGAAGCATTAAATATGTCATAAATCTGCATTAGAATCAACCAAACTCACCTAATCTTGAATACCGCAAAAATAACAA	600
TCONS_00009270	TTTTTAAAAAATAATAATAAAGATATAAGAAGAAATATTAAATAAAGCATCCCAATGAGATGAAGAAATCTGAACAACTCTCTCTTAAAGAAATCCCGAAACACCGCG	717
lncRNA4	TTTTTAAAAAATAATAATAAAGATATAAGAAGAAATATTAAATAAAGCATCCCAATGAGATGAAGAAATCTGAACAACTCTCTCTTAAAGAAATCCCGAAACACCGCG	717

lncRNA5

TCONS_00262811 lncRNA5	TCATCACCCTCCCACTGACCTCTATTCTACTCTTAATCTTTACCTCATTTGGCACTTACTCCCACTAAATCAATAAAATCTGAGAGTTAAATTAATTTTGGATTTTTCATTTTGG TCATCACCCTCCCACTGACCTCTATTCTACTCTTAATCTTTACCTCATTTGGCACTTACTCCCACTAAATCAATAAAATCTGAGAGTTAAATTAATTTTGGATTTTTCATTTTGG	120 120
TCONS_00262811 lncRNA5	TCTCTTAATAATTTCTGCTTCTCAGTTTCTATTTTTTTTTAAAAATATTATAAAATGCAAAATAACTAAATCCTAATAATTATTAAAAATTAGCTAATCTGTGCTTTTTATGTAATTTT TCTCTTAATAATTTCTGCTTCTCAGTTTCTATTTTTTTTTAAAAATATTATAAAATGCAAAATAACTAAATCCTAATAATTATTAAAAATTAGCTAATCTGTGCTTTTTATGTAATTTT	240 240
TCONS_00262811 lncRNA5	GCTAATTATACCACTTATTAATGTAATCTGAGCAGACAGCAAAATCTCAAAATATATTATTATTTTCATGAAAGCTGGAGAGGTAATAGGGCTTTGCTTCAAGTACAGATGTTGCG GCTAATTATACCACTTATTAATGTAATCTGAGCAGACAGCAAAATCTCAAAATATATTATTATTTTCATGAAAGCTGGAGAGGTAATAGGGCTTTGCTTCAAGTACAGATGTTGCG	360 360
TCONS_00262811 lncRNA5	TAGTTTCACAAATCAGAATTGGATTGGCTTGATGTTGTTGATAGGCTTAGAGGCACAGCAATAGTGGGATAACAAATGAATATTATAAAATTGAAACCTCATTGCAATCATGCATGGTT TAGTTTCACAAATCAGAATTGGATTGGCTTGATGTTGTTGATAGGCTTAGAGGCACAGCAATAGTGGGATAACAAATGAATATTATAAAATTGAAACCTCATTGCAATCATGCATGGTT	480 480
TCONS_00262811 lncRNA5	GTCACTTGTCAATTGCAACATTGACGTGGTGGTGGCTGAGCTAATACAGCTCCTCGGGAACCTGAAGGACCTACATTATCTTAGTGGTATGAATGCATACACTTGATTACCCCTTCATCAT GTCACTTGTCAATTGCAACATTGACGTGGTGGTGGCTGAGCTAATACAGCTCCTCGGGAACCTGAAGGACCTACATTATCTTAGTGGTATGAATGCATACACTTGATTACCCCTTCATCAT	600 600
TCONS_00262811 lncRNA5	CATTTCACACCCCTCAACTCGTGAATAAAGTTACAAAATCCTAAATGCTCCATATTTATTTATTTTAAATTTCTCATTTTTCTTTATTAGATTTCTAGCTTTTAAATTTACAAACT CATTTCACACCCCTCAACTCGTGAATAAAGTTACAAAATCCTAAATGCTCCATATTTATTTATTTTAAATTTCTCATTTTTCTTTATTAGATTTCTAGCTTTTAAATTTACAAACT	720 720
TCONS_00262811 lncRNA5	GTGAGATAGATCAATTTTTGTTTCTAACCTGTAAAAGTATGAATAATAAGGACTACATATGCTCTTTGTAAATTTAGAAAAATCTAGATCATTATATAAATTTTGGAACTAATTAG GTGAGATAGATCAATTTTTGTTTCTAACCTGTAAAAGTATGAATAATAAGGACTACATATGCTCTTTGTAAATTTAGAAAAATCTAGATCATTATATAAATTTTGGAACTAATTAG	840 840
TCONS_00262811 lncRNA5	GGATAAATAAGACTTAAAACTGAATTTGTCACCTCAACAAAAPAAAAAAGCTGAGAGCCAAATTTGAATTTTTCTACAGAGTTATTTCTCAATTTATAAATTTAAGTACCGATTAAT GGATAAATAAGACTTAAAACTGAATTTGTCACCTCAACAAAAPAAAAAAGCTGAGAGCCAAATTTGAATTTTTCTACAGAGTTATTTCTCAATTTATAAATTTAAGTACCGATTAAT	960 960
TCONS_00262811 lncRNA5	TCAACTGC TCAACTGC	968 968

lncRNA6

TCONS_00236479 lncRNA6	ATTCTCACAAATGATAGTAGTACATCAATAGTTAATTAATCTAAGTTTCAAAAATTTCCGAACATGGCATCAATTTTGAAGAAAAGATTCCATTTCACTCACCTTGAGATGAACAAGA ATTCTCACAAATGATAGTAGTACATCAATAGTTAATTAATCTAAGTTTCAAAAATTTCCGAACATGGCATCAATTTTGAAGAAAAGATTCCATTTCACTCACCTTGAGATGAACAAGA	120 120
TCONS_00236479 lncRNA6	TGCATCCACATGCTGCTTTTTTTTTTCCCATTTGATTACACATTACAGATTACCTTTGTTCTCCTTCAGTTCAATCAAACTACACATCAGCTTCATCATTTTGATTCAAAATGTC TGCATCCACATGCTGCTTTTTTTTTTCCCATTTGATTACACATTACAGATTACCTTTGTTCTCCTTCAGTTCAATCAAACTACACATCAGCTTCATCATTTTGATTCAAAATGTC	240 240
TCONS_00236479 lncRNA6	AGCAACGGATAATCTTTTGTATCCAAATTTATAGCATTTCACGTTTGGGCAATTTTACCTGGACTTGACTACCAAAATCAACCACAACTTGCTGATGCTGGAACCTGTAACAATTA AGCAACGGATAATCTTTTGTATCCAAATTTATAGCATTTCACGTTTGGGCAATTTTACCTGGACTTGACTACCAAAATCAACCACAACTTGCTGATGCTGGAACCTGTAACAATTA	360 360
TCONS_00236479 lncRNA6	TGCAACACATCATCACTCCCTGCTGATATTCAGGCAATTGACCTGACAGTTGG TGCAACACATCATCACTCCCTGCTGATATTCAGGCAATTGACCTGACAGTTGG	417 417

lncRNA7

TCONS_00286692 lncRNA7	AACTACGAGATCCGGAACCATACCATGGTCGATTCTCTCCCAATGTCAAGCAGCTATCATCAAGCTTCCAGACTCCAAATCAATTCCAAACAGCTCTAATTTGGCAATTCACACCGG AACTACGAGATCCGGAACCATACCATGGTCGATTCTCTCCCAATGTCAAGCAGCTATCATCAAGCTTCCAGACTCCAAATCAATTCCAAACAGCTCTAATTTGGCAATTCACACCGG	120 118
TCONS_00286692 lncRNA7	AAATTCACACAAATCAATCTATTTTATGAAATTCACCAAAATTAAGTAGGGCTACATAATTAACACCGATAGGGTTAGAGTTTCTTACCTTACCCGAGATTAATTAGACAACCG AAATTCACACAAATCAATCTATTTTATGAAATTCACCAAAATTAAGTAGGGCTACATAATTAACACCGATAGGGTTAGAGTTTCTTACCTTACCCGAGATTAATTAGACAACCG	240 238
TCONS_00286692 lncRNA7	CTTATACCTTATCCACCACTAGAGTACCTTAAACCATCAAAATTAACAAATCTCTCAATACCAAGAATTCAAATCAGGAACCTGAAAGGGAAGAAATGGACACAAAATCAGAAATTTCTT CTTATACCTTATCCACCACTAGAGTACCTTAAACCATCAAAATTAACAAATCTCTCAATACCAAGAATTCAAATCAGGAACCTGAAAGGGAAGAAATGGACACAAAATCAGAAATTTCTT	360 358
TCONS_00286692 lncRNA7	TACCAAAATTTGAGTGTGTTTTATAGAGAATTCGAGAGCAACAGTGAATTTGACGGCTCTCAATTTGGAGGGCTATAAGGATGATTGGACTTGGAACTGGGTGATCGTTAGATT TACCAAAATTTGAGTGTGTTTTATAGAGAATTCGAGAGCAACAGTGAATTTGACGGCTCTCAATTTGGAGGGCTATAAGGATGATTGGACTTGGAACTGGGTGATCGTTAGATT	480 478
TCONS_00286692 lncRNA7	GTGAGGCTCCAAATCTAGATCCAGAACATATATATCCCATAAATCTTAGCGAAGACTGAAATCAGACTTGTCTGAAAGCTGTGCTTTGATCACCACCTTAAACACAAATGCCAAGA GTGAGGCTCCAAATCTAGATCCAGAACATATATATCCCATAAATCTTAGCGAAGACTGAAATCAGACTTGTCTGAAAGCTGTGCTTTGATCACCACCTTAAACACAAATGCCAAGA	600 598
TCONS_00286692 lncRNA7	AGTAACATGTTGCAGTAGTAGTGATAAGCTATACCAAAATGATTAATAACAGTGGTTAGCCCAACATATATAACCAAGTTCAACAAATGATGCACATAATATTTCCATTTTGCAAAGC AGTAACATGTTGCAGTAGTAGTGATAAGCTATACCAAAATGATTAATAACAGTGGTTAGCCCAACATATATAACCAAGTTCAACAAATGATGCACATAATATTTCCATTTTGCAAAGC	720 718
TCONS_00286692 lncRNA7	GCTAATTATAAATCAGTAAATCAGATGCCAATCAGCATTTTAAAAATATAAAGCATCCTTTGGCAATCAATAACCAAAAATACTTTTTGGCTGTTTGGCTAATGGCAACAGAG GCTAATTATAAATCAGTAAATCAGATGCCAATCAGCATTTTAAAAATATAAAGCATCCTTTGGCAATCAATAACCAAAAATACTTTTTGGCTGTTTGGCTAATGGCAACAGAG	840 838
TCONS_00286692 lncRNA7	TAGTAGATTCACCTTCCACCCCTCTTCATGATACCTTCCTCTCTCGTTGATGATAAG TAGTAGATTCACCTTCCACCCCTCTTCATGATACCTTCCTCTCTCGTTGATGATAAG	900 898